



AKADEMISKA SJUKHUSET

NanoString – lungcancer

Bakgrund

Trankriptionsanalys av ALK, ROS1, RET och MET exon 14 utförs för att identifiera vilka lungcancerpatienter som kan vara aktuella för behandling med tyrosinkinashämmare.

Analys/Metod

RNA-extraktion av tumörvävnad. Det extraherade RNA:t analyseras med en validerad fusionsgenspanel ”20160801_LungMelanoma”, med hjälp av nCounter Analysis system (NanoString Technologies). Med denna panel detekteras fusions- och exon skipping-transkript i ALK, ROS1, RET och MET. RNA:t hybridiseras med barkodade prober, och prepareras med hjälp av en automatiserad nCounter Sample Prep Station. De immobiliserade prob-targetkomplexen skannas sen med hjälp av nCounter Digital Analyzer, och antalet detekterade fragment dokumenteras.

Provmaterial

Analysen utförs på RNA som extraherats från formalinfixerad paraffinbäddad vävnad. För ett tillförlitligt resultat krävs en tumörcellshalt i provet på minst 20 %.

Svarsrutin

Analysen utförs varannan vecka.

Referens

Lira et al., JMD 2015